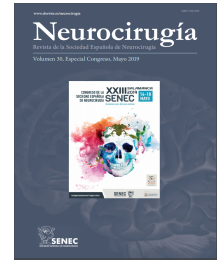




Neurocirugía



<https://www.revistaneurocirugia.com>

C0444 - PAPEL DE FOXP2 COMO BIOMARCADOR PRONÓSTICO EN GLIOBLASTOMA CEREBRAL

J. Plata Bello, H. Fariña, I. Betancor, Y. Quintero, E. Salido y V. García Marín

Hospital Universitario de Canarias, La Laguna, España.

Resumen

Objetivos: Determinar el papel de FOXP2 como biomarcador pronóstico en pacientes con glioblastoma.

Métodos: Estudio observacional ambispectivo en el que se analiza la expresión de FOXP2 (inmunohistoquímica) en muestras de pacientes de nuestro centro y se estudia la expresión de RNAm de FOXP2 de una cohorte de pacientes con glioblastoma de la base de datos del The Cancer Genome Atlas (TCGA). Finalmente, se ha estudiado la expresión de genes diana de este factor de transcripción. El análisis estadístico se ha basado en una regresión de COX, analizándose no sólo las variables relacionadas con la expresión de FOXP2, sino otras de carácter clínico y/o molecular que han demostrado tener implicaciones pronósticas.

Resultados: En la IHQ, más del 90% de las muestras de glioblastoma presentaban positividad para FOX2, con una positividad media del 28,33% (DE = 32,29). En el grupo de pacientes del TCGA, el 79% presentaba un incremento de la expresión de FOXP2, con positividad media de 29,72 RPKM (DE = 63,77). La mayor expresión proteica de FOXP2 se asociaba a peor pronóstico, tanto en relación con el intervalo libre de progresión (HR = 1,711; p = 0,034), como para la supervivencia global (HR = 1,809; p = 0,014). Esta asociación se mantenía estadísticamente significativa en el análisis multivariante. Sin embargo, cuando se consideraba la expresión a nivel de RNAm, la asociación entre la expresión de FOXP2 y el pronóstico no era tan evidente. Finalmente, los genes diana de FOXP2 no muestran la regulación que se ha descrito en estudios previos (preferentemente represión), sino que la mayoría de estos genes muestra una sobreexpresión a pesar de los altos niveles de FOXP2.

Conclusiones: FOXP2 es un factor de transcripción que se encuentra sobreexpresado en un alto porcentaje de pacientes con glioblastoma. Esta sobreexpresión podría asociarse con un peor pronóstico.